



# **Exámenes genéticos II: FISH, Cariograma, MLPA. Técnica y rendimiento prenatal.**

Autora: Dra. Clara Rioseco R.

Tutores: Dr. Sergio De La Fuente G. Dra. Catherine Díaz.

Obstetricia y Ginecología - Medicina Materno Fetal

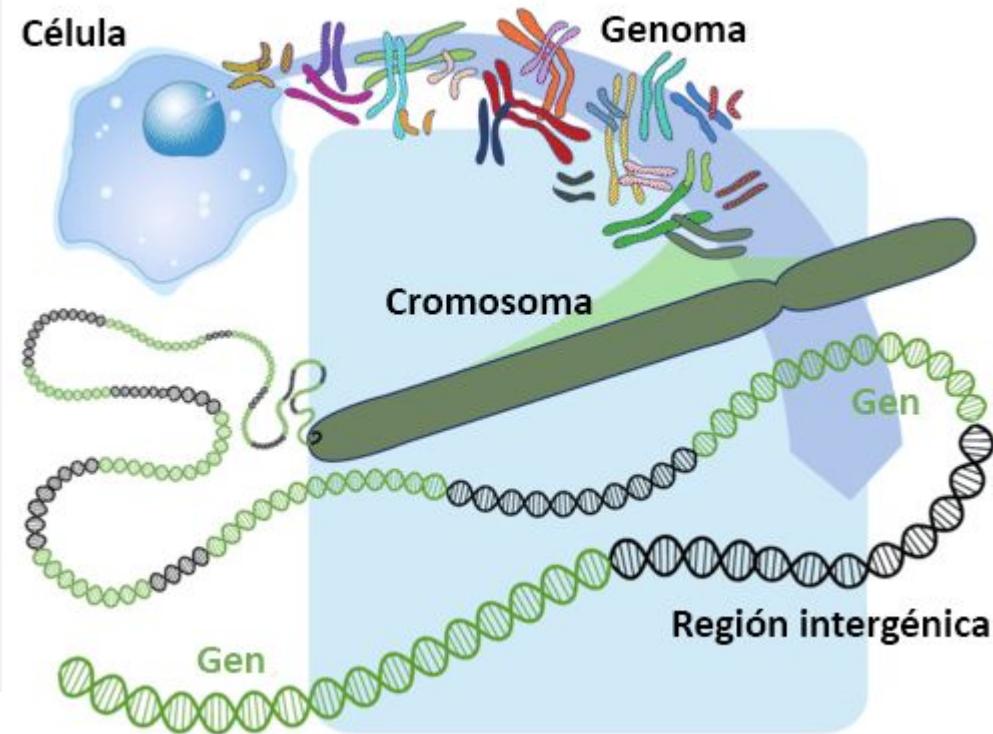
**Genoma:** información genética que caracteriza a un individuo, heredada de los progenitores

23 Pares de cromosomas

Contienen información genética almacenadas en unidades de información:  
**genes**

**Genoma: 3.000 Mb, 23.000 genes.**

**Exoma:** parte del genoma que codifica para proteínas (2% del genoma)





# Anomalías genéticas

01	Anomalías cromosómicas	<ul style="list-style-type: none"><li>• Numéricas</li><li>• Estructurales</li></ul>
02	Síndromes microdelección y microduplicación	<ul style="list-style-type: none"><li>• fragmentos entre 10 KB y 10 MB.</li></ul>
03	Enfermedades monogénicas	<ul style="list-style-type: none"><li>• autosómicas dominantes</li><li>• autosómicas recesivas</li><li>• ligadas al cromosoma X</li></ul>



# Test genéticos: Diagnóstico prenatal

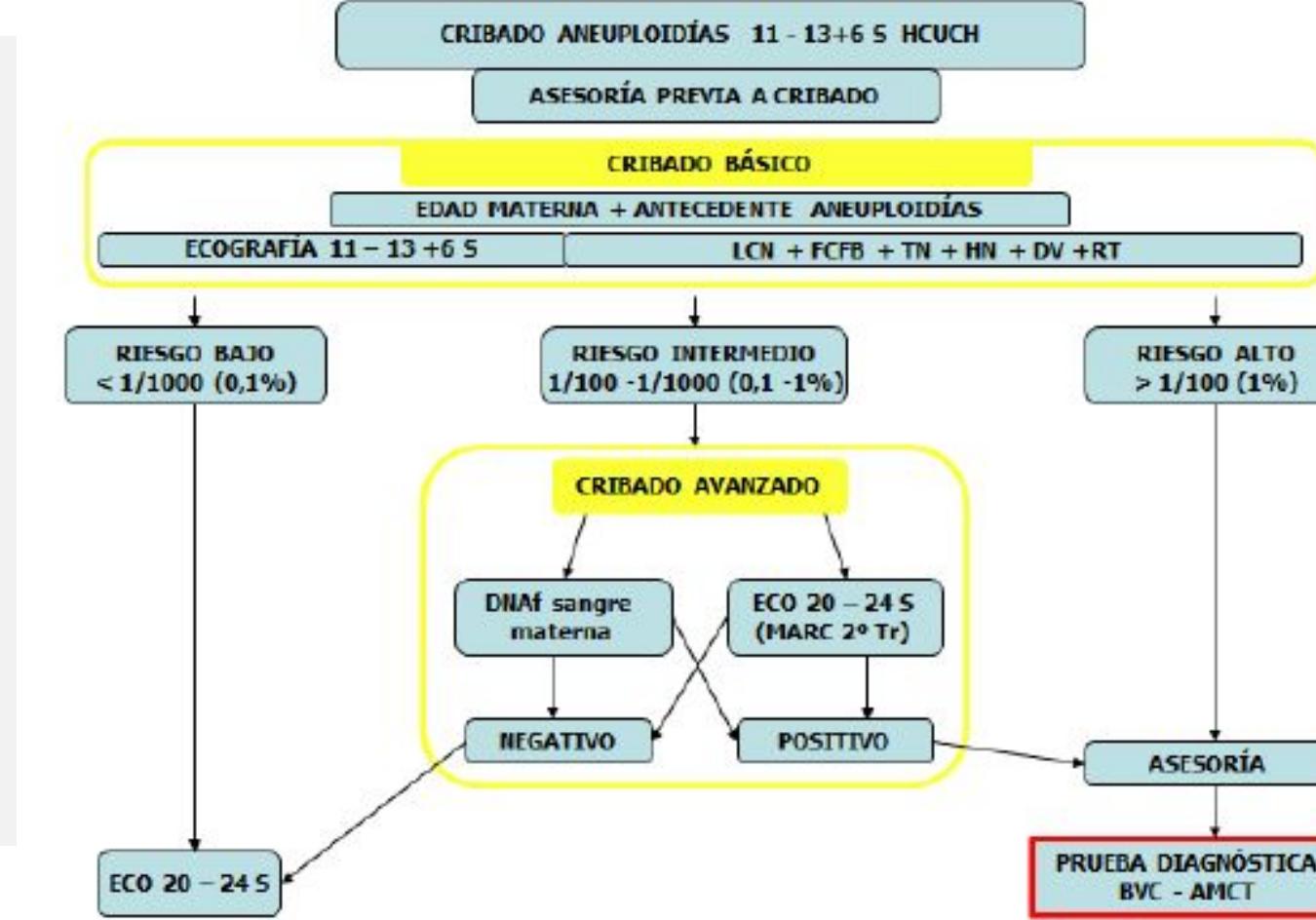
opciones terapéuticas

atención adecuada del embarazo y parto

manejo y acompañamiento multidisciplinario



# Indicaciones test genéticos





# Indicaciones test genéticos

**Padres portadores de reordenamiento cromosómico balanceado**

**Consanguinidad**

**Aborto espontáneo aneuploide en gestación previa**

**Historia familiar de malformaciones congénitas/alteraciones genéticas**

**Retraso de crecimiento intrauterino severo**

**Exposición a teratógenos**

**Hijo previo con anomalía genética**

**Hallazgos ultrasonográficos de malformaciones fetales**

**Riesgo alto para anomalías cromosómicas calculado por tamizaje ecográfico o en Test Prenatal No Invasivo (DNA libre en sangre materna)**



# Importancia test genéticos

## Las malformaciones congénitas

### Importante

asociación a  
alteraciones genéticas

- 25% por aneuploidía
- 10% por variación del número de copias
- 20% mutaciones monogénicas
- 40% multifactoriales

**2º causa  
mortalidad infantil**

Las malformaciones congénitas son la 2da causa de mortalidad infantil (32%).

- Causan el 54% de las hospitalizaciones pediátricas.

**60%**

abortos espontáneos del primer trimestre

**1/150 RNV las presenta**

- 5% mortinatos
- 5-7% de las muertes en lactantes e infantes



# Tipos de test genéticos

## No invasivos

- Cálculo de riesgo eco 11-14 sem
- DNA fetal libre en sangre materna

## Invasivos

### Procedimientos invasivos:

- Biopsia vellosidades coriales
- Amniocentesis
- Cordocentesis

Estudios genéticos antenatales:

- Citogenética
- Genética molecular





# Procedimientos invasivos

## Biopsia vellosidades coriales

Semana 10-13 de edad gestacional

Vía abdominal o transcervical

**Riesgos:** pérdida del embarazo 0,22%, 32% metrorragia. Riesgo falla cultivo, infección o rotura de membranas < 0,5%.

## Amniocentesis

A partir de las 16 semanas

Riesgo pérdida del embarazo 0,13-0,27%, punción transplacentaria no otorga mayor riesgo de pérdida del embarazo

Riesgo rotura de membranas o sangrado 1-2%.

## Cordocentesis

Desde semana 20 de edad gestacional.

Riesgo 1,3% pérdida del embarazo

Riesgo 5-10 % de bradicardia y 20-30% sangrado desde el sitio de punción



# Cariograma

Analiza número y estructura de los cromosomas en metafase:  
evalúa la **dotación cromosómica completa**

Estudio del patrón de bandas mediante **bandeo G**.

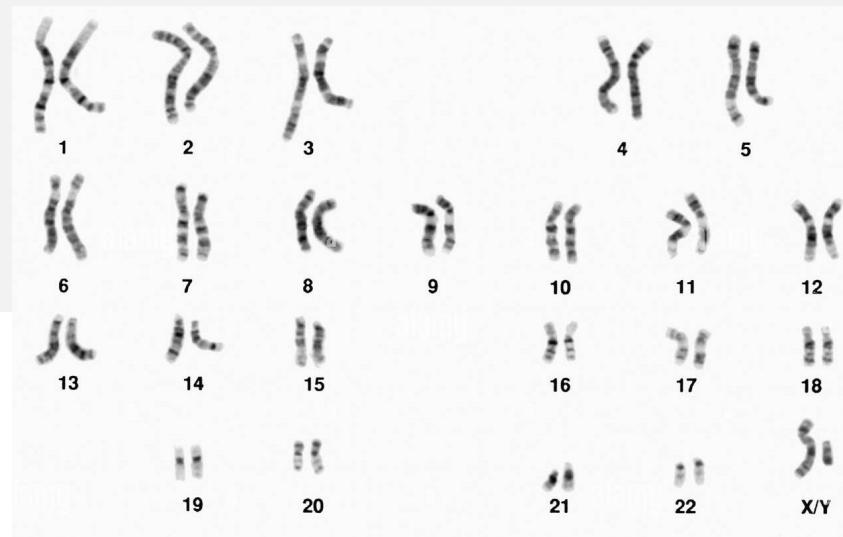
Requiere procesamiento manual e interpretación por experto

Analiza 25-50 células en metafase.

Número de bandas mínimo para un cariotipo prenatal 250-400.

Detección de mosaicismos entre 6 a 12% según número de metafases analizado.

**Costo-efectivo.**





## Cultivo corto

**Células del trofoblasto** → 3 a 7 días  
Sin riesgo de contaminación materna  
2% riesgo de detectar anomalías confinadas a la placenta  
1/3000 falsos negativos → cultivo largo

## Cultivo largo

**Células mesenquimáticas (BVC, AMCT)** → 10-15 días.  
Riesgo de contaminación materna.  
Menos falsos negativos, menos probabilidad de detectar anomalía confinada a la placenta.

## Cultivo en sangre fetal

→ Utiliza **linfocitos de sangre fetal**.  
(7 días)



Identifica las anomalías cromosómicas numéricas y estructurales > **5-10 MB con una precisión diagnóstica de un 99,5%.**

Se observan anomalías del cariotipo en alrededor del **50%** de los fetos con malformaciones estructurales a la ecografía.

**Alteraciones del número:** monosomías, trisomías, nulisomías (pérdida de un par), tetrasomías, poliploidías

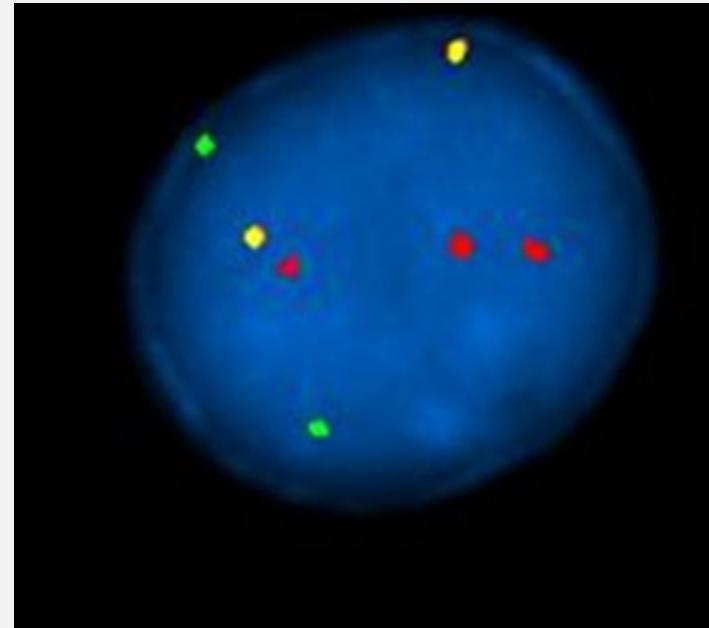
**Alteraciones en la estructura del cromosoma:** duplicaciones, delecciones, translocaciones **balanceadas** o robertsonianas, translocaciones desbalanceadas, inversiones, cromosomas en anillo, cromosomas marcadores.

# FISH (Fluorescense in situ hybridization)

Sonda fluorescente detecta la presencia o ausencia de cromosomas o segmentos específicos de cromosomas (microdelecciones o duplicaciones).

Resultados en 48-72 horas

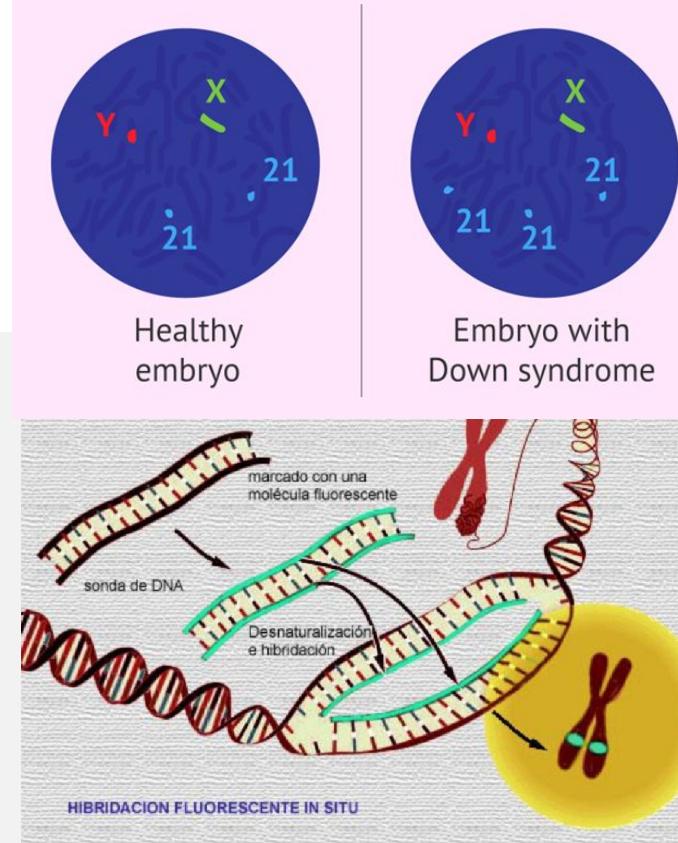
**FISH en metafase (resolución 2 Mb) o interfase (resolución 40-250 Kb)**



FISH en interfase

# Utilizada en:

- caracterización cromosómica: diagnóstico rápido de aneuploidías 13, 18, 21, X e Y.
- microdelecciones, duplicaciones específicas.
- detecta presencia de mosaicismo sobre el 5%.

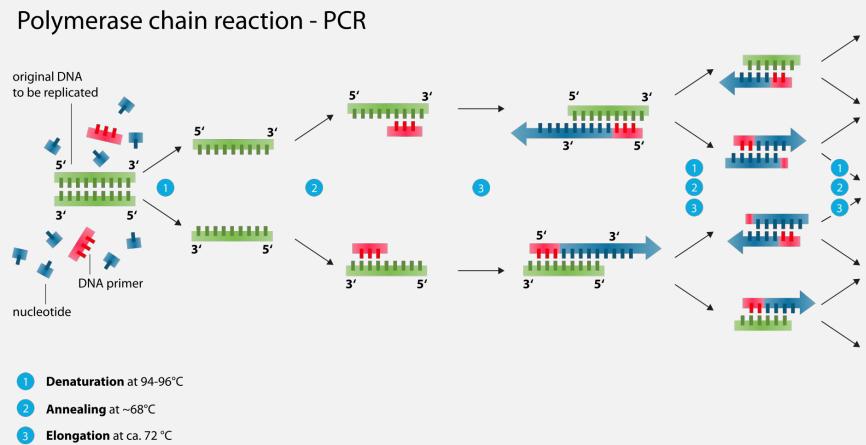


## Limitaciones:

- Falsos negativos o falsos positivos descritos entre 0,024% y 0,044% respectivamente → atribuído a factores técnicos, o hibridación cruzada que disminuye o anula señal.
- No identifica mutaciones pequeñas, disomía uniparental, inversiones cromosómicas.

# QF-PCR (quantitative fluorescense PCR)

- Amplificación exponencial de segmentos específicos de ADN (STR/marcadores microsatélites) de los cromosomas estudiados.



- STR: Short Tandem Repeats, son marcadores de cada cromosoma y se marcan con fluorocromos → amplificación y cuantificación. Identificando aneuploidías 13, 18, 21, X e Y.

Hospital Clínic | Hospital Sant Joan de Déu | Universitat de Barcelona, Antoni Borrell i Joan Sabrià, Celia Bádenas, Laia Rodríguez-Revenga, Anna Soler, Meritxell Jodar, Josep Oriola. (2021). ESTUDIOS GENÉTICOS EN MUESTRAS FETALES. <https://fetalmedicinebarcelona.org/wp-content/uploads/2024/02/EstudiosGeneticosEnMuestrasFetales.pdf>

Norton, M. E., Kuller, J. A., & Dugoff, L. (Eds.). (2019). Genética Perinatal. Elsevier.

SINFEX RED UC CHRISTUS. ANEUPLOIDÍA, PCR FLUORESCENTE DE LOS CROMOSOMAS 13,18, 21, X e Y.

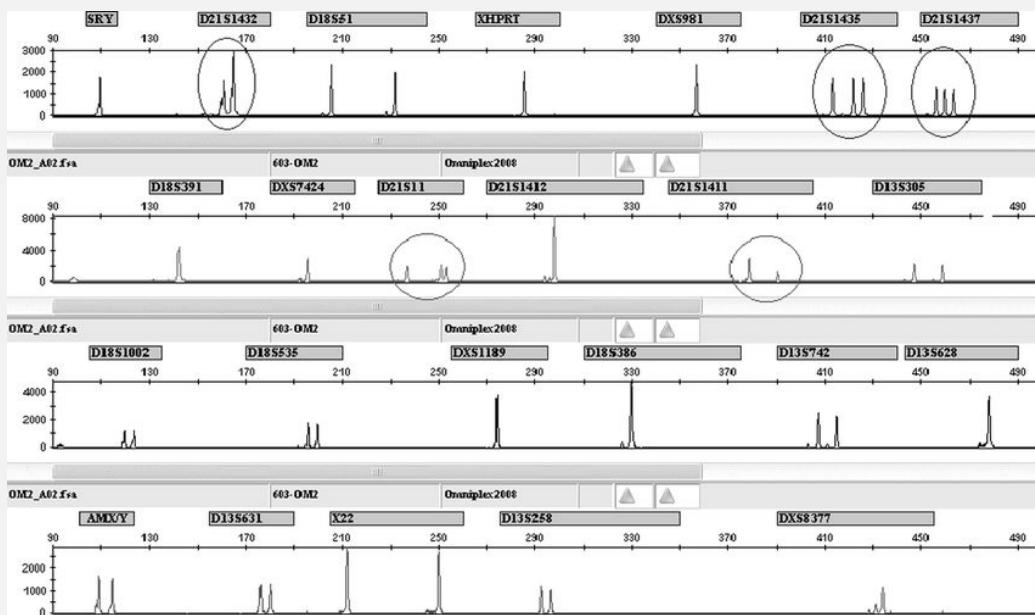
<https://appsinflex.ucchristus.cl/Sinfex/docs/view/a9c6080023e64c93a24031b9840ba0b8>

Langlois, S., Duncan, A., Wilson, R. D., Audibert, F., Brock, J.-A., Carroll, J., Cartier, L., Désilets, V. A., Gagnon, A., Johnson, J.-A., Langlois, S., Murphy-Kaulbeck, L., Okun, N., Pastuck, M., Langlois, S., Chitayat, D., DeBie, I., Demczuk, S., Désilets, V. A., ... Skidmore, D. (2011). Use of a DNA method, QF-PCR, in the prenatal diagnosis of fetal aneuploidies. Journal d'obstétrique et Gynécologie Du Canada [Journal of Obstetrics and Gynaecology Canada], 33(9), 955–960. [https://doi.org/10.1016/s1701-2163\(16\)35022-8](https://doi.org/10.1016/s1701-2163(16)35022-8)



- En Chile: resultado en 48 hrs.
  - Especificidad reportada hasta del 100% (Laboratorio Red Salud UC).

- En estudios: VPP 100%, VPN 99,7%. Riesgo residual del 0,05% de un fenotipo desfavorable tras una QF PCR normal en casos de bajo riesgo de aneuploidía.



SINFEX RED UC CHRISTUS. ANEUPLOIDÍA, PCR FLUORESCENTE DE LOS CROMOSOMAS 13,18, 21, X e Y.

<https://appsinflex.ucchristus.cl/Sinfex/docs/view/a9c6080023e64c93a24031b9840ba0b8>

Langlois, S., Duncan, A., Wilson, R. D., Audibert, F., Brock, J.-A., Carroll, J., Cartier, L., Désilets, V. A., Gagnon, A., Johnson, J.-A., Langlois, S., Murphy-Kaulbeck, L., Okun, N., Pastuck, M., Langlois, S., Chitayat, D., DeBie, I., Demczuk, S., Désilets, V. A., ... Skidmore, D. (2011). Use of a DNA method, QF-PCR, in the prenatal diagnosis of fetal aneuploidies. Journal d'obstetrique et Gynecologie Du Canada [Journal of Obstetrics and Gynaecology Canada], 33(9), 955–960. [https://doi.org/10.1016/s1701-2163\(16\)35022-8](https://doi.org/10.1016/s1701-2163(16)35022-8).

Hospital Clinic | Hospital Sant Joan de Déu | Universitat de Barcelona, Antoni Borrell i Joan Sabria, Celia Badenas, Laia Rodriguez-Revenga, Anna Soler, Meritxell Jodar, Josep Oriola. (2021). ESTUDIOS GENÉTICOS EN MUESTRAS FETALES. <https://fetalmedicinebarcelona.org/wp-content/uploads/2024/02/EstudiosGeneticosEnMuestrasFetales.pdf>



## Ventajas

- Rapidez (24-48 hrs)
- Pequeño volumen de muestra
- No requiere cultivo
- Proceso **automatizado**
- Detecta contaminación materna en muestra fetal

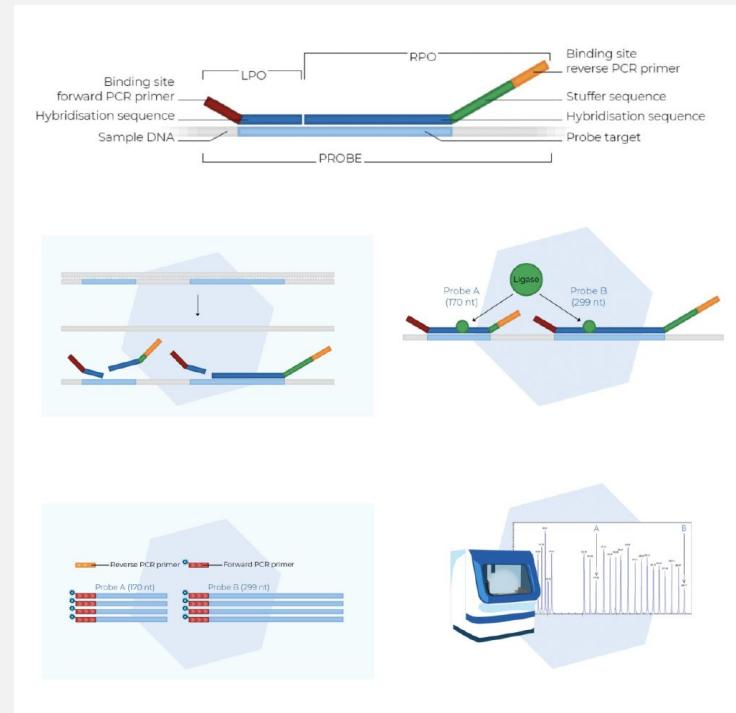
## Limitaciones

- Restringido a 5 cromosomas
- No detecta monosomías
- No detecta delecciones
- Detecta mosaicismos sobre 30%
- No distingue trisomía libre/translocación

# MLPA (multiple ligand probe amplification)

Sondas que detectan secuencias específicas de ADN, se unen a secuencia diana de forma adyacente ligándose entre ellas → amplificación por PCR.

Señal emitida por sondas amplificadas permite analizar el número de copias de la región de interés.



VIDEO: <https://youtu.be/gfLJxKuqleY>



## Permite diagnóstico de:

- Microdelecciones/Duplicaciones de regiones o genes específicos.
- Variantes de número de copias (CNV), pequeños reordenamientos.
- Alteraciones de la impronta/metilación (MS - MLPA).
- Disomía uniparental

Sample Type	Container	Transportation Temperature	Volume
	Peripheral blood	EDTA vacutainer	20-25°C 3 – 4 ml
	Purified genomic DNA	In a sealed Eppendorf tube	20-25°C A minimum 1 microgram of DNA at a concentration of 50-100ng/µl
	POC (fetal tissue)	Tissue in sterile container in saline and cardiac or cord blood in vacutainer	20-25°C 3 – 4 mm POC specimen or 50 100 mg of each tissue
	Amniotic Fluid	Sterile container	20-25°C 10-15ml
	Chorionic villi	Sterile container with culture medium or saline solution with 1% antibiotic	2-8 °C 300-500mg



## Limitaciones: no puede detectar

- reordenamientos cromosómicos equilibrados
- delecciones y duplicaciones que quedan fuera del alcance de las sondas de MLPA utilizadas (teloméricas, mutaciones puntuales, inserciones y delecciones pequeñas).
- repeticiones secuenciales o mutaciones en el ADN mitocondrial.

Sensibilidad analítica y especificidad para MLPA: **99%**

Norton, M. E., Kuller, J. A., & Dugoff, L. (Eds.). (2019). Genética Perinatal. Elsevier.

Langlois, S., Duncan, A., Wilson, R. D., Audibert, F., Brock, J.-A., Carroll, J., Cartier, L., Désilets, V. A., Gagnon, A., Johnson, J.-A., Langlois, S., Murphy-Kaulbeck, L., Okun, N., Pastuck, M., Langlois, S., Chitayat, D., DeBie, I., Demczuk, S., Désilets, V. A., ... Skidmore, D. (2011). Use of a DNA method, QF-PCR, in the prenatal diagnosis of fetal aneuploidies. Journal d'obstetrique et Gynecologie Du Canada [Journal of Obstetrics and Gynaecology Canada], 33(9), 955–960. [https://doi.org/10.1016/s1701-2163\(16\)35022-8](https://doi.org/10.1016/s1701-2163(16)35022-8)

MRC Holland (2022). Protocolo general de MLPA.

MLPA – Multiplex ligation-dependent probe amplification - IGENOMIX Latino América. (2021, abril 27). Igenomix.com. <https://latam.igenomix.com/diagnostico-genetico/analisis-genes-individuales/mlpa/>



# Conclusiones

- El estudio de enfermedades genéticas resulta cada vez más crucial en el adecuado manejo de patologías materno fetales.
- Se debe avanzar hacia la modernización de los estudios genéticos con disponibilidad amplia hacia la población, con protocolos de derivación a estudio genético razonables para hacer un uso efectivo del recurso.
- El equipo médico debe conocer las herramientas de cada test para indicar de forma adecuada la realización de ellos.



# **Exámenes genéticos II: FISH, Cariograma, MLPA. Técnica y rendimiento prenatal.**

Autora: Dra. Clara Rioseco R.

Tutores: Dr. Sergio De La Fuente G. Dra. Catherine Díaz.

Obstetricia y Ginecología - Medicina Materno Fetal